

Monroy-Vaca EX, de Armas Y, Illnait-Zaragoz MT, Torao G, Diaz R, Vega D, Alvarez-Lam I, Calderon EJ, Stensvold CR. Prevalencia y distribucin de genotipos de *Pneumocystis jirovecii* en nios cubanos con tos ferina. J Clin Microbiol. 2014; 52: 45-51.

Este estudio describe la prevalencia y distribucin genotpica de *Pneumocystis jirovecii* en hisopados nasofarngeos (NP) de nios cubanos inmunocompetentes con tos ferina. Un total de 163 NP de 163 nios jvenes cubanos con tos ferina fueron admitidos en dos centros peditricos de referencias. La prevalencia del organismo se determin por PCR cuantitativo (qPCR) del gen de la subunidad mayor del ARN ribosmico de la mitocondria (mtLSU rRNA) de *P. jirovecii*. Los genotipos se identificaron por secuencin nucleotdica del mtLSU rRNA) y por el anlisis del polimorfismo de restriccin de los fragmentos de longitud (RFLP) del gen de la dihidropteroate sintasa (DHPS). La tcnica de qPCR detect ADN de *P. jirovecii* en 48/163 (29.4%) muestras analizadas. El anlisis de las secuencias del gen mtLSU rRNA revel la presencia de tres genotipos diferentes en la poblacin. El genotipo 2 fue el ms comn (48%), seguido por los genotipos 1 (23%) y 3 (19%); infecciones de genotipos mixtos se observaron en el 10% de los casos. El anlisis de los productos de la tcnica de RFLP demostr 4 genotipos, 18% de ellos asociados con la resistencia a las sulfas. Solo contactos con tosedores (razn de prevalencia [PR], 3,51 [95% intervalo de confianza {CI}, 1,79 a 6,87]; $p < 0.0001$) y exposicin a fumadores (PR, 1,82 [95% CI, 1,14 a 2,92]; $p = 0,009$) se asociaron estadsticamente a la colonizacin por *P. jirovecii*. La prevalencia de *P. jirovecii* en nios con tos ferina y los resultados del genotipaje brinda evidencia de que esta poblacin representa un reservorio potencial y fuente de transmisin de *P. jirovecii*.